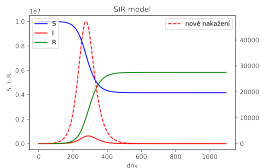


# Epidemické modely

## MODAM 2022



Jan Kracík

Katedra aplikované matematiky, VŠB - TUO



Pro modelování šíření epidemií v čase se využívají přihrádkové modely (compartmental models).

Základním modelem je tzv. **SIR model**.

- Sir Ronald Ross, Hilda P. Hudson (1916 - 1917)
- William O. Kermack, Anderson O. McKendrick (1927)

Skupina  $N$  jedinců je rozdělena do  $k$  přihrádek.

- V každém okamžiku patří každý jedinec do právě jedné přihrádky.
- Podle daných pravidel se jedinci v čase přesouvají mezi přihrádkami.
- Modelujeme vývoj počtu jedinců v jednotlivých přihrádkách.

Skupina  $N$  jedinců ( $10^7$  obyvatel ČR).

3 přihrádky:

- $\mathcal{S}$  - náchylní (**S**usceptible) - mohou se nakazit
- $\mathcal{I}$  - infekční (**I**nfectious) - mohou nakazit ostatní
- $\mathcal{R}$  - uzdravení (**R**ecovered) - nemohou se znovu nakazit

Skupina  $N$  jedinců ( $10^7$  obyvatel ČR).

3 přihrádky:

- $S$  - náchylní (**S**usceptible) - mohou se nakazit
- $I$  - infekční (**I**nfectious) - mohou nakazit ostatní
- $R$  - uzdravení (**R**ecovered) - nemohou se znovu nakazit

Přesuny jedinců:

- $S \rightarrow I$  - náchylný se nakazí
- $I \rightarrow R$  - nakažený se uzdraví

Sledujeme vývoj počtu jedinců v přihrádkách  $S$ ,  $I$ ,  $R$  v závislosti na čase  $t$ .

Zjednodušení:

- Čas měříme celými čísly (ve dnech).
- Počty jedinců v přihrádkách jsou reálná čísla.

Sledujeme vývoj počtu jedinců v přihrádkách  $S$ ,  $I$ ,  $R$  v závislosti na čase  $t$ .

Zjednodušení:

- Čas měříme celými čísly (ve dnech).
- Počty jedinců v přihrádkách jsou reálná čísla.

Pro  $t = 0, 1, 2, \dots$  označme

- $S_t$  ... počet náchylných jedinců v den  $t$ ,
- $I_t$  ... počet nakažených jedinců v den  $t$ ,
- $R_t$  ... počet uzdravených jedinců v den  $t$ .



Jak závisí počet jedinců v den  $t + 1$  na hodnotách ze dne  $t$ ?

Jak závisí počet jedinců v den  $t + 1$  na hodnotách ze dne  $t$ ?

Jinak řečeno:

Kolik jedinců se během jednoho dne (průměrně) přesune mezi přihrádkami?

Označme

- $D$  ... průměrná doba, po kterou je jedinec infekční,
- $\gamma = \frac{1}{D}$  ... pravděpodobnost, že jedinec přestane být následující den infekční.

Označme

- $D$  ... průměrná doba, po kterou je jedinec infekční,
- $\gamma = \frac{1}{D}$  ... pravděpodobnost, že jedinec přestane být následující den infekční.

Pak

- $\gamma I_t$  je průměrný počet jedinců, kteří přestanou být následující den infekční, tj. počet přesunů z  $\mathcal{I}$  do  $\mathcal{R}$ .

Označme

- $\beta$  ... počet nákaz od jedince za den, jsou-li všichni ostatní náchylní.

Označme

- $\beta$  ... počet nákaz od jedince za den, jsou-li všichni ostatní náchylní.

Pak

- $\beta \frac{S_t}{N}$  je počet nákaz od jedince za den.  
(Podíl  $\frac{S_t}{N}$  odpovídá poměru náchylných v populaci.)

Označme

- $\beta$  ... počet nákaz od jedince za den, jsou-li všichni ostatní náchylní.

Pak

- $\beta \frac{S_t}{N}$  je počet nákaz od jedince za den.  
(Podíl  $\frac{S_t}{N}$  odpovídá poměru náchylných v populaci.)
- $\beta \frac{I_t S_t}{N}$  je celkový počet nákaz od všech infekčních za den, tj. počet přesunů z  $S$  do  $I$ .

Označme

- $\beta$  ... počet nákaz od jedince za den, jsou-li všichni ostatní náchylní.

Pak

- $\beta \frac{S_t}{N}$  je počet nákaz od jedince za den.  
(Podíl  $\frac{S_t}{N}$  odpovídá poměru náchylných v populaci.)
- $\beta \frac{I_t S_t}{N}$  je celkový počet nákaz od všech infekčních za den, tj. počet přesunů z  $S$  do  $I$ .
- $\beta D = \frac{\beta}{\gamma}$  je celkový počet nákaz od jedince za den, jsou-li všichni ostatní náchylní, *základní reprodukční číslo*.



Dynamika modelu závisí na parametrech  $\beta$  a  $\gamma$ .

Význam parametrů lze interpretovat také následovně:

- $\beta$  je počet nových nákaz na jednoho nakaženého za den, jsou-li všichni ostatní náchylní.
- $\gamma$  je počet nově uzdravených na jednoho nakaženého za den.

Pro  $t = 0, 1, 2, \dots$

$$S_{t+1} = S_t - \beta \frac{I_t S_t}{N},$$

$$I_{t+1} = I_t + \beta \frac{I_t S_t}{N} - \gamma I_t,$$

$$R_{t+1} = R_t + \gamma I_t,$$

kde  $S_0, I_0, R_0$  je stav populace na začátku šíření epidemie.

---

## Algorithm 1 SIR model

---

### Require:

$S_0, I_0, R_0, N$  {počáteční stav, velikost populace}

$\beta, \gamma$  {parametry modelu}

$T$  {počet kroků simulace}

- 1: **for**  $t = 0$  to  $T - 1$  **do**
  - 2:    $S_{t+1} \leftarrow S_t - \beta \frac{I_t S_t}{N}$
  - 3:    $I_{t+1} \leftarrow I_t + \beta \frac{I_t S_t}{N} - \gamma I_t$
  - 4:    $R_{t+1} \leftarrow R_t + \gamma I_t,$
  - 5: **end for**
-

# SIR model jako systém ODR

Uvažujme nyní místo diskrétního času  $t \in \{0, 1, \dots\}$  spojitě se měnící čas  $t \geq 0$ .

Počty jedinců v přihrádkách  $\mathcal{S}, \mathcal{I}, \mathcal{R}$  jsou nyní vyjádřeny hodnotami funkcí  $S(t), I(t), R(t) : \mathbb{R}^+ \rightarrow \mathbb{R}$ .

Uvažujme nyní místo diskrétního času  $t \in \{0, 1, \dots\}$  spojitě se měnící čas  $t \geq 0$ .

Počty jedinců v přihrádkách  $S, I, R$  jsou nyní vyjádřeny hodnotami funkcí  $S(t), I(t), R(t) : \mathbb{R}^+ \rightarrow \mathbb{R}$ .

„Přírůstky“

$$-\beta \frac{I(t)S(t)}{N}, \beta \frac{I(t)S(t)}{N} - \gamma I(t), \gamma I(t)$$

můžeme chápat jako hodnoty *okamžité změny veličin*  $S, I, R$  za *jednotku času*, tj. jako hodnoty *derivací*  $S'(t), I'(t), R'(t)$ .

# SIR model jako systém ODR

SIR model pro spojitý čas má nyní podobu soustavy obyčejných diferenciálních rovnic

$$S'(t) = -\beta \frac{I(t)S(t)}{N},$$

$$I'(t) = \beta \frac{I(t)S(t)}{N} - \gamma I(t),$$

$$R'(t) = \gamma I(t),$$

kde  $S(0) = S_0$ ,  $I(0) = I_0$ ,  $R(0) = R_0$ .

Tuto soustavu neumíme řešit analyticky.

# SIR model - numerické řešení Eulerovou metodou

Hledejme přibližné hodnoty řešení soustavy ve časech  $t = k\Delta$ ,  
pro zvolený krok  $\Delta > 0$  a  $k = 0, 1, \dots, K$ .

# SIR model - numerické řešení Eulerovou metodou

Hledejme přibližné hodnoty řešení soustavy ve časech  $t = k\Delta$ , pro zvolený krok  $\Delta > 0$  a  $k = 0, 1, \dots, K$ .

Pro přírůstky hodnot funkcí  $S, I, R$  mezi časy  $(k + 1)\Delta - k\Delta$  platí

$$S((k + 1)\Delta) - S(k\Delta) = \int_{k\Delta}^{(k+1)\Delta} S'(t)dt,$$

$$I((k + 1)\Delta) - I(k\Delta) = \int_{k\Delta}^{(k+1)\Delta} I'(t)dt,$$

$$R((k + 1)\Delta) - R(k\Delta) = \int_{k\Delta}^{(k+1)\Delta} R'(t)dt.$$



# SIR model - numerické řešení soustavy ODR

Aproximujeme-li integrály  $\int_{k\Delta}^{(k+1)\Delta} S'(t)dt$  hodnotou  $\Delta S'(k\Delta)$  a obdobně pro zbývající dva integrály, dostaneme přibližné vztahy

$$S((k+1)\Delta) \approx S(k\Delta) - \beta \frac{I(k\Delta)S(k\Delta)}{N} \Delta,$$

$$I((k+1)\Delta) \approx I(k\Delta) + \left( \beta \frac{I(k\Delta)S(k\Delta)}{N} - \gamma I(k\Delta) \right) \Delta,$$

$$R((k+1)\Delta) \approx R(k\Delta) + \gamma I(k\Delta) \Delta.$$

Pro  $\Delta = 1$  dostáváme pro přibližná řešení soustavy ODR vztahy totožné s původními rovnicemi pro diskrétní čas.

Pro přibližné hodnoty  $S_k \approx S(k)$ ,  $I_k \approx I(k)$ ,  $R_k \approx R(k)$  dostáváme iterační vztahy

$$S_{k+1} = S_k - \beta \frac{I_k S_k}{N},$$

$$I_{k+1} = I_k + \left( \beta \frac{I_k S_k}{N} - \gamma I_k \right),$$

$$R_{k+1} = R_k + \gamma I_k.$$

Zkrácením kroku  $\Delta$  snížíme chybu aproximace.

<https://github.com/ea542/MODAM22>

Děkuji za pozornost!



